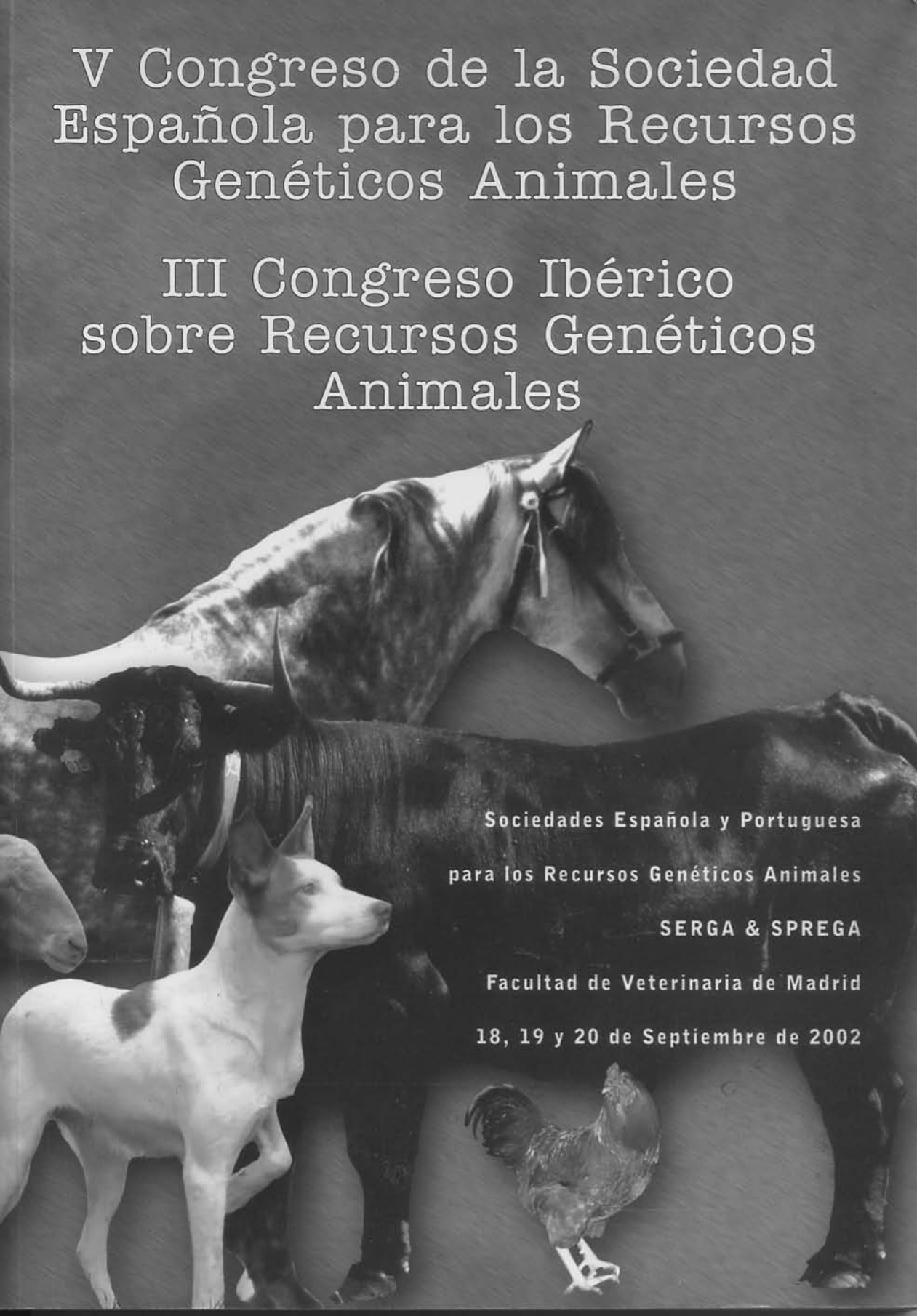


V Congreso de la Sociedad Española para los Recursos Genéticos Animales

III Congreso Ibérico sobre Recursos Genéticos Animales



Sociedades Española y Portuguesa
para los Recursos Genéticos Animales

SERGA & SPREGA

Facultad de Veterinaria de Madrid

18, 19 y 20 de Septiembre de 2002

CARACTERIZACIÓN Y RELACIONES INTERRACIALES ENTRE CINCO RAZAS ASNALES ESPAÑOLAS A PARTIR DE CARACTERES MORFOLÓGICOS

GARCÍA, E¹., JORDANA, J.¹ & GÓMEZ, M².

¹Unitat de Genètica i Millora Animal. Departament de Ciència Animal i dels Aliments. Facultat de Veterinària, Universitat Autònoma de Barcelona, 08193-Bellaterra, Barcelona.

²Servicio de Ganadería. Diputación Foral de Bizkaia. Avda. Lehendakari Aguirre, 9, 2º. 48014-Bilbao.

El presente trabajo tiene como finalidad la caracterización morfológica de cinco razas asnales españolas en peligro de extinción (Andaluza, Catalana, Encartaciones, Mallorquina y Zamorano-Leonesa). Dicha caracterización se realizó a partir de la información procedente de 317 animales adultos de ambos sexos. Para ello se tomaron 26 medidas corporales, y a partir de éstas se calcularon 12 índices zoométricos. Los resultados generados se analizaron mediante estadística descriptiva, y se estudió la influencia de los efectos raza, sexo y su interacción mediante un ANOVA. El análisis del factor raza mostró que las poblaciones Catalana, Mallorquina y Zamorano-Leonesa eran las más semejantes a nivel morfométrico. El factor sexo reveló que el dimorfismo sexual en las razas españolas es poco manifiesto, ya que, y aunque los valores fueron ligeramente superiores para los machos, la mayoría de las variables no presentaron diferencias significativas, a excepción de las variables de las extremidades. Las medidas cefálicas fueron las que presentaron mayor variabilidad (valores de CV más elevados). Los coeficientes de correlación entre las medidas y los dendrogramas obtenidos a partir de estos (por sexos y razas), nos permitieron analizar las interrelaciones existentes entre y dentro las diferentes regiones corporales. Los valores más elevados de correlación se dieron en la región troncal, concretamente entre las alzadas. Por último, se realizó un análisis factorial de componentes principales y se calcularon los valores de distancia de Mahalanobis entre las razas; asimismo, y utilizando esta distancia y el algoritmo UPGMA se confeccionó un dendrograma de relaciones genéticas entre las razas a partir de datos morfológicos. Se analizan y discuten los resultados obtenidos a nivel morfológico y se comparan con las relaciones obtenidas a partir de datos moleculares.