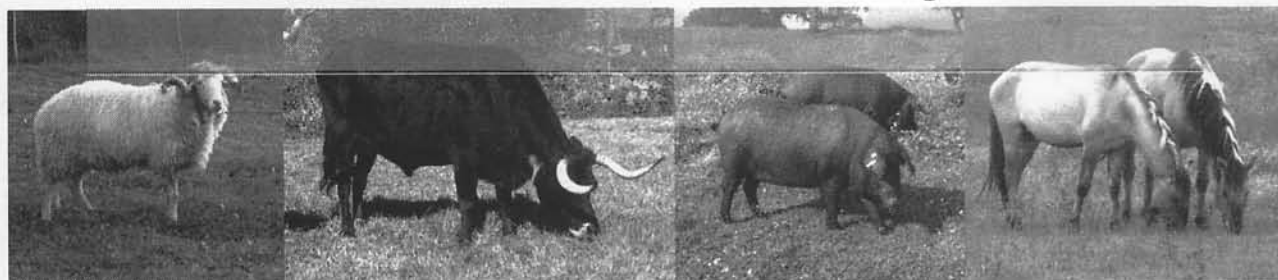


VI Congresso Ibérico sobre Recursos Genéticos Animais

4ª Reunião da Sociedade Portuguesa de Recursos Genéticos Animais
8ª Reunião da Sociedade Espanhola para os Recursos Genéticos Animais



RESUMO DAS COMUNICAÇÕES



Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa

18 a 20 de Setembro de 2008



Sociedade Portuguesa de Recursos Genéticos Animais

ANÁLISIS DE LA VARIABILIDAD GENÉTICA INTRARRACIAL EN LA RAZA EQUINA CABALLO PIRENAICO CATALÁN

Infante, J., Ferrando, A., Parés, P. M. & Jordana, J.

Departament de Ciència Animal i dels Aliments. Facultat de Veterinària. Universitat Autònoma de Barcelona. 08193-Bellaterra, Barcelona, Spain.

Palabras Clave: caballo, microsatélites, variabilidad genética, conservación.

El Caballo Pirenaico Catalán es una agrupación racial ubicada en siete comarcas del Pirineo y pre-Pirineo catalán (Alta Ribagorça, Alt Urgell, Cerdanya, Pallars Jussà, Pallars Sobirà, Ripollès y Vall d'Aran). Con fecha 24 de abril se publicó el Libro Genealógico y se aprobó su estándar racial (DOGC Núm. 5122, de 30 de abril de 2008) por parte de la Generalitat de Catalunya, substituyéndose de forma oficial el nombre que, de manera provisional, había mantenido hasta el momento: Agrupación Hipermétrica Pirenaica.

Es una población caballar de orientación principalmente cárnica, que se fue formando en las primeras décadas del s.XX, a través de los cruces de diferentes razas, francesas y belgas principalmente, con el antiguo Caballo Catalán, actualmente extinto. La población cuenta con un censo aproximado de 4500 animales (4000 yeguas y 500 sementales) y es morfológicamente heterogénea, muy rústica y de elevada fertilidad.

Se analizó la diversidad genética de esta agrupación para un total de 16 marcadores microsatélites, mediante la obtención de muestras de pelos de animales procedentes de las siete comarcas. Se muestrearon un total de 135 animales, con un promedio de 19 individuos por comarca (rango 13-25). Los marcadores microsatélites detectaron un total de 125 alelos (7,82 alelos por locus). La diversidad genética para el conjunto de la raza y dentro de cada comarca fue elevada ($H_E \geq 0,70$; rango 0,70 – 0,73). Se detectó un ligero déficit de heterocigotos para el conjunto de la población ($F_{IS} = 0,040$; $P < 0,01$). Apenas se presentó subestructuración poblacional, con valores F_{ST} muy bajos. Sin embargo, la comarca del Pallars Sobirà mostró un valor de F_{IS} significativo ($F_{IS} = 0,124$; $P < 0,001$) incluso después de aplicar la corrección de Bonferroni para test múltiples. La diversidad genética de la raza es en conjunto elevada y no se han detectado grandes diferencias entre comarcas.

La agrupación aspira a ser reconocida en breve como raza, a nivel estatal. El conocimiento del estado de la diversidad genética de la población, en el momento de la apertura del Libro, está permitiendo establecer las medidas de gestión más adecuadas para el mantenimiento futuro de la diversidad genética de la raza.