

POSICIONAMIENTO GENÉTICO DE LA RAZA EQUINA HISPANO-BRETÓN

O. Cortes¹, J.L. Vega-Pla², A. Berruezo³, N. Chomon⁴, M.M. Oom⁵, S. Dunner¹, J.V. Delgado⁶, L. Gama⁷, C. Ginja³, J. Jordana⁸, V. Landj^{6,9}, C. Luis^{5,10}, I. Martín-Burriel¹¹, A.M. Martínez^{4,6}, P. Zaragoza¹¹, J. Cañon¹ y BioHorse Consortium¹²

1 Departamento de Producción Animal. Facultad de Veterinaria. Universidad Complutense de Madrid. 28040 Madrid. España.

2 Laboratorio de Investigación Aplicada. Ministerio de Defensa. España. 3 Consejería de Desarrollo Rural, Ganadería, Pesca y Biodiversidad. Santander. España. 4 Centro de Selección y Reproducción Animal (CENSYRA). Cantabria. 5 Centro de Biología Ambiental, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa, Lisboa, Portugal. 6 Universidad de Córdoba, España. 7 Universidade de Lisboa, Portugal. 8 Universidad Autónoma de Barcelona, España. 9 Animal Breeding Consulting. España. 10 Centro de Interuniversitário de História das Ciências e da Tecnologia, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa, Portugal 11 Universidad de Zaragoza, España. 12 BioHorse Consortium: <http://biohorse.jimdo.com/>

La raza equina Hispano-Bretón está considerada como una raza autóctona en peligro de extinción según el catálogo oficial de razas de ganado de España. Se distribuye de forma mayoritaria en el norte de la Península y su uso productivo principal es la producción de carne. Para el estudio, se ha utilizado la información proporcionada por 25 marcadores genéticos autosómicos de tipo microsatélite en 30 muestras aleatorias de la raza equina Hispano-Bretón proporcionadas por la Asociación de Criadores de Ganado Equino de Raza Hispano Bretón de Cantabria, junto a otras 20 razas equinas de la Península Ibérica. Los parámetros de diversidad genética estimados, como la heterocigosis esperada, en la raza Hispano-Bretón, se sitúan en el límite superior del rango obtenido en el conjunto de razas analizadas. La distancia F_{ST} promedio de esta raza con respecto al resto de razas equinas analizadas fue de 0,06. Cabe destacar la estrecha proximidad del Hispano-Bretón con las razas Burguete y Pirinenc Català, con una distancia F_{ST} no significativamente diferente de 0. El valor F_{IS} obtenido no mostró un déficit significativo de heterocigotos ($F_{IS}=0,02$). Los resultados del análisis factorial de correspondencias, así como el dendrograma de relaciones obtenido a partir de la matriz de distancias F_{ST} , mostraron un mismo patrón. Las razas de origen celta de la Península Ibérica conformaron un clúster claramente diferenciado, situándose la raza Hispano-Bretón muy próxima a las razas Burguete y Pirinenc Català. Las razas de influencia árabe formaron un segundo clúster, y por último: el Pura Sangre Inglés, el caballo de Retuertas y la raza Sorraia, configuraron tres clústeres separados del resto. Los resultados obtenidos con un análisis de agrupamiento bayesiano mostraron resultados similares, separando las razas de origen celta, incluida la Hispano-Bretón, de las razas de origen árabe presentes en la Península Ibérica.

Palabras clave: Hispano-Bretón, variabilidad genética, relaciones genéticas